

Journée 2014 ATM Génomique & Collections

lundi 17 novembre 2014, campus UPMC, Salle de cours Agrégation, Tour 45-55, 1er étage

Enjeux et méthodes de la génomique comparative dans le cadre des sciences de l'évolution

Session 1 : Stratégies montantes en génomique comparative

Horaire	Intervenant	Titre
9h30-10h00	Sarah Samadi UMR7205, MNHN	Introduction de la journée et présentation du contexte scientifique
10h00-10h30	Stéphane Hourdez UMR7144, St. Biol. Roscoff	Assemblage et études de transcriptomes séquencés par RNAseq Illumina
10h30-11h00	Eric Panté UMR7266, La Rochelle	Next-generation transcriptome and mitogenome sequencing for characterizing barriers to gene flow in the bivalve <i>Macoma balthica</i>
11h00-11h30		Pause café
11h30-12h00	Marie Cariou UMR5558, Lyon	Rad-Seq, Phylogeny and estimation of genetic diversity
12h00-12h30	Pierre-Alexandre Gagnaire UMR5554, Montpellier	Génomique de la spéciation chez le bar européen, histoire évolutive d'une divergence atlantico-méditerranéenne

Session 2 : Nouvelles stratégies et nouveaux outils déployés au MNHN

Horaire	intervenant	Titre
14h00-14h20	Jose Utge UMS2700, MNHN	Présentation : technologie ion-torrent et applications
14h20-14h40	Régis Debruyne UMS2700, MNHN	Génomique complète : assemblage et qualité des données de séquençage sur le PGM
14h40-15h00	Jawad Abdelkrim UMR7205/UMS2700, MNHN	L'approche RADseq mise en place au SSM : résultats des premiers tests
15h00-15h20	Lauriane Cacheux UMR7196/UMR7205, MNHN	Séquençage ciblé et analyse des séquences d'ADN centromérique chez les primates : leur diversité, leur évolution
15h20-15h50		Pause café
15h50-16h10	Agnès Dettaï UMR7205, MNHN	Mitogénomique et multiplexage individuel sur le PGM
16h10-16h30	Alexandre Hassanin UMR7205, MNHN	Séquençage ciblé sur des ADNs dégradés
16h30-16h50	Pascal Jean Lopez UMR7208, MNHN	Impact du chlordécone sur la diversité des biofilms des rivières de Guadeloupe
16h50-17h10		Tour de table final

17h30 pot convivial à la cafétéria du MNHN